Carrera del Personal de Apoyo
Profesional en bioinformática

Unidad de Gestión: **OFICINA DE COORDINACION ADMINISTRATIVA PQUE. CENTENARIO**

Unidad Ejecutora / CIT: **IABIMO**

Título de proyecto:

Cargo a solicitar: **Profesional**

Comité evaluador: **IABIMO**

Fecha de apertura del concurso: **15-09-2021**

Fecha de cierre del concurso: **15-10-2021**

Descripción de las actividades a realizar - Tareas específicas:

- **Realizar el mantenimiento de cluster y de recursos computacionales.**
- **Instalar y actualizar programas/herramientas bioinformáticas.**
- **Administrar usuarios y uso de almacenamiento del cluster en Bioinformática**
- **Implementar herramientas (bio)informáticas que contribuyan al análisis y almacenamiento de datos.**
- **Asistir a los investigadores en el análisis de datos masivos de estudios en genómicos, metagenómicos, ensambles, anotación de genes, estudios filogenéticos, etc.**
- **Asistir en la creación de base de datos y data mining.**
- **Asistir y apoyar cursos de formación y perfeccionamiento en el tema.**
- **Desarrollar flujos de trabajo.**
- **Colaborar en la instalación y mantenimiento de sistemas informáticos, particularmente OS Linux.**
- **Mantener el orden en el espacio físico en que se desempeñe.**
- **Realizar las tareas atendiendo las normas de seguridad de la Unidad.**
- **Brindar capacitaciones en el área de su desempeño.**

Requisitos:

- **Ser argentino nativo, o naturalizado.**
- **El cargo a cubrir se encuadra en el régimen establecido por Ley 20.464 para el Personal de Apoyo a la Investigación Y Desarrollo de CONICET.**
- **Los interesados deben cumplir con los requisitos establecidos en la Ley Marco de Regulación Público Nacional, Ley 25164 Y su Dec. de Empleo Reglamentario N°1421/02.**
- **Graduado universitario con título de grado en Ingeniería en Informática o Sistemas, Bioinformática, Ciencias de la Computación, Bioingeniería, Biología, Bioquímica, Biotecnología, Genética, Matemática, Física, Informática o carreras afines.**
- **Experiencia en uso de cluster y capacidad para implementar herramientas y/o desarrollar flujos de trabajo.**
- **Antecedentes deseables en administración, manipulación y análisis de datos masivos (NGS), genómica (ensambles de genomas, anotación de genes), biología estructural y funcional.**
- **Conocimiento en LINUX Línea de comandos.**
- **Conocimiento de lenguaje de programación Python y/o Perl**
- **Conocimiento de lenguaje de programación R (estadística).**
- **Capacidad y disposición para trabajar en equipo y en grupos interdisciplinarios**
- **Buen manejo de inglés (lecto-escritura).**
- **Capacidad de transmisión de conocimientos.**
- **Disponibilidad para realizar cursos de formación y perfeccionamiento en el área de su desempeño**
- **Desempeñar las tareas con Dedicación Exclusiva**

Detalle de Equipos a utilizar para el presente cargo:

Observaciones:

Este concurso se realizará a través del Sistema Integral de gestión y Evaluación (SIGEVA) mediante la intranet del CONICET. Ver Instructivo para Ingresos CPA por SIGEVA en el apartado "descargas" (menú de la derecha de la página web)

Digitally signed by DOCUMENTACION FIRMA DIGITAL - DFD
Date: 2021.09.13 13:03:44 ART
Reason: Firmado por Massini Sacchi, A. 27341423754
Location: CONICET